

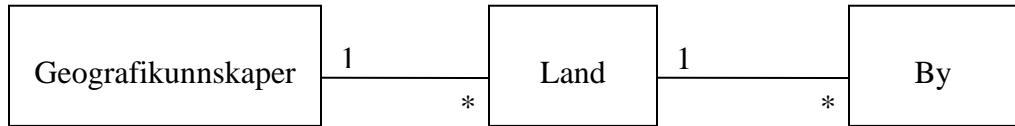
# Løsningsforslag til eksamen i INF1000 våren 2005

## Oppgave 1

- a) hei blir skrevet ut 2 ganger
- b) a=9  
b=10
- c) t er nå:abc  
u er nå:defghi  
deF finnes ikke  
s ender med klm
- d) verdien til z er 6  
like  
sann  
 $d = 22$
- e) k=6
- f) produktet av alle verdiene i array a.
- g) Linje 1 og 11 feil bruk av parentes.  
Linje 2 navn er deklarert som en int i linje 7 blir navn satt lik en String.

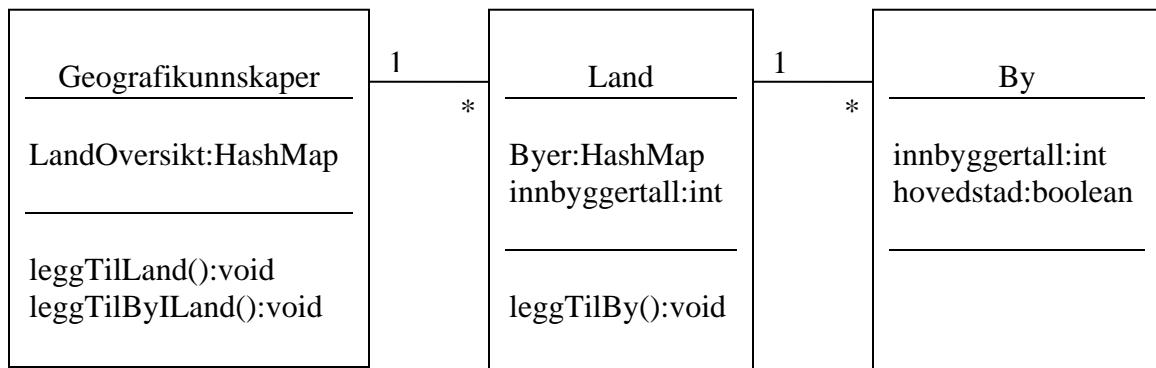
## Oppgave 2

a)



UML Klassediagram

evt:



b)

i class *By*:

```
void skrivUt(){
    System.out.println(innbyggertall);
}
```

i class *Land*:

```
void skrivUtAlleLand(){
    System.out.println(innbyggertall);
    System.out.println("*****");
    Iterator it = Byer.keySet().iterator();
    while (it.hasNext()){
        String n = (String) it.next();
        System.out.print(n + " ");
        By b = (By) Byer.get(n);
        b.skrivUt();
    }
}
```

i class *Geografikunnskaper*:

```
void skrivUt(){
    Iterator it = LandOversikt.keySet().iterator();
    while (it.hasNext()){
        String nøkkel = (String) it.next();
        System.out.println(nøkkel + " ");
        System.out.println("*****");
        Land land = (Land) LandOversikt.get(nøkkel);
        land.skrivUtAlleLand();
    }
}
```

i main:

```
geo.skrivUt();
```

## Oppgave 3

a)

```
double[] symbolFrekvens(String sekvens){  
    int a = 0;  
    int t = 0;  
    int c = 0;  
    int g = 0;  
    String SEKVENNS = sekvens.toUpperCase();  
    int n = SEKVENNS.length();  
    for (int i = 0; i < n; i++){  
        char s = SEKVENNS.charAt(i);  
        switch (s) {  
            case 'A': a++;  
            break;  
            case 'T': t++;  
            break;  
            case 'C': c++;  
            break;  
            case 'G': g++;  
        }  
    }  
    double[] frekvens = {(double) a/n, (double) t/n, (double) c/n, (double) g/n};  
  
    return frekvens;  
}
```

b)

```
class DNAsekvens{  
    String navn;  
    String sekvens;  
    double[] frek = new double[4];  
    int lengde;  
  
    double[] symbolFrekvens(String sekvens){ SE OPPGAVE 3A  
    }  
  
    DNAsekvens(String navn, String sekvens){  
        this.navn = navn;  
        this.sekvens = sekvens.toUpperCase();  
        lengde = sekvens.length();  
        frek = symbolFrekvens(sekvens);  
    }  
}
```

c)

```
DNAsekvens[] lesSekvenserFraFil(String filnavn){  
    In innfil = new In(filnavn);  
    int ant = innfil.inInt();  
    DNAsekvens[] sekvensene = new DNAsekvens[ant];  
    for (int i = 0; i < ant; i++){  
        String navn = innfil.inWord();  
        String sek = innfil.inWord();  
        sekvensene[i] = new DNAsekvens(navn,sek);  
    }  
  
    return sekvensene;  
}
```